

СООТНОШЕНИЕ МОРФОЛОГИЧЕСКОЙ И ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ИЗМЕНЧИВОСТИ БУРОГО  
МЕДВЕДЯ *URSUS ARCTOS LINNAEUS*, 1758 ДАЛЬНЕГО ВОСТОКА

Гуськов В.Ю.

ФГБУН Биолого-почвенный институт ДВО РАН, г. Владивосток, Россия

valguskov@gmail.com

Бурый медведь – голарктический вид, имеет значительный ареал, охватывающий горнолесную область Палеарктики и Неарктики. Попытки изучения внутривидовой систематики медведя не прекращаются до настоящего времени, что обусловлено высокой индивидуальной и географической изменчивостью данного вида (Чернявский, 1986; Юдин, 1991; Барышников, 2010). Всего описано 16 подвидов, которые характеризуются различиями в окраске и размерах тела. Для Дальнего Востока были обоснованы 8 подвидов в разное время и разными исследователями, но единого мнения по внутривидовой дифференциации на этой территории нет (Юдин, 1991; Барышников, 2010). В последние годы с внедрением молекулярно-генетических методов широко дискутируются несоответствия конкретных таксономических схем, построенных на основе морфологических и генетических подходов. Можно констатировать лишь появление плодотворных консенсусов в этом направлении (Baryshnikov et al., 2004; Абрамсон, 2013).

Нами была проведена работа по изучению изменчивости крааниометрических и генетических параметров у бурого медведя Дальнего Востока России. В работе использованы 282 черепа из различных музеев страны, а также 54 образца тканей из четырех регионов Дальнего Востока: Амурская и Сахалинская область, Хабаровский и Приморский край. Исследовался фрагмент мтДНК длиной 1257 п.н., включающий в себя цитохром *b* и фланкирующие последовательности. Результатом крааниометрического анализа стали выявленные нами два морфологических кластера для черепов бурого медведя старше шести лет из северо-восточной Азии. Эти кластеры были обнаружены как для самцов, так и для самок, но для первых имели более значимую статистическую поддержку. В первый кластер вошли особи с меньшими параметрами черепа, чем особи второго кластера. Данный анализ и деление на кластеры не были основаны на отнесении того или иного черепа к определенному подвиду или региону. При последующем сравнении с распределением подвидов на территории Дальнего Востока (по Аристов, Барышников, 2001; Барышников, 2007) оказалось, что достоверной корреляции с каким-либо подвидом на данной территории не наблюдается. Меняется лишь процент преобладания особей того или иного кластера в подвиде. Выборка из левобережья р. Амур (Амурская область и Хабаровский край) содержала в равной степени особей из каждого кластера. На основании этого можно предположить наличие здесь некоей зоны перехода между подвидами бурого медведя (*U. a. arctos*, *U. a. jeniseensis* и *U. a. lasiotus*). Это может подтверждаться тем, что в этой зоне присутствуют стыки различных фаун – Приамурской, Даурско-монгольской и Восточносибирской (Куренцов, 1959, 1965, 1974; Фрисман и др., 2013). При рассмотрении генетической структуры популяции медведя дальневосточного региона основной массив образцов относился к основному типу галотипов (3а), распространённому на большей части ареала (Davison et al., 2011). Небольшая часть образцов была отнесена к редкой подгруппе 3б (Leonard et al., 2000). Сравнивая генетические данные с результатами крааниометрического исследования, мы не наблюдаем никакой корреляции между ними. По данным строения мтДНК образцы делятся на свои группы, а по морфологическим – на свои. Схожего распределения не наблюдается, в области распространения одной группы гаплотипов могут находиться ареалы нескольких подвидов, и наоборот. На филогенетических реконструкциях также не выделяется монофилетических групп, соответствующих одному подвиду. Сравнение полученных генетических данных с нынешним распределением подвидов на Дальнем Востоке России оставляет много вопросов. Если принять, что генетические признаки для такого крупного вида на данной территории подвержены меньшей изменчивости, чем морфологические критерии, и строить систематику с учетом и генетических признаков, следует пересмотреть всю таксономическую систему бурого медведя и дополнить новыми диагнозами уже существующие описания подвидов.