

ФИЛОГЕОГРАФИЯ И ИСТОРИЧЕСКИЕ ИЗМЕНЕНИЯ АРЕАЛА ОБЫКНОВЕННОЙ
СОРОКИ (*PICA PICA* Linnaeus, 1758): ПОНИМАНИЕ ГЕНЕТИЧЕСКИХ И
БИОАКУСТИЧЕСКИХ ДАННЫХ

Харинг Э.^{1,2}, Спиридонова Л.³, Мори С.⁴, Архипов В.Ю.^{5,6}, Редькин Я.⁷, Горошко О.^{8,9},
Лобков Е.¹⁰, Крюков А.³

1 – Музей естественной истории, г. Вена, Австрия

2 – Венский университет, г. Вена, Австрия

3 – Биолого-почвенный институт ДВО РАН, г. Владивосток, Россия

4 – Ракуно Гакуен Университет, г. Эбеце, Япония

5 – Институт теоретической и экспериментальной биофизики РАН, г. Пущино, Россия

6 –Рдейский заповедник, г. Холм, Россия

7 – Зоологический музей Московского государственного университета, г. Москва, Россия

8 – Даурский биосферный заповедник, с. Нижний Цасучей, Россия

9 – Институт природных ресурсов, экологии и криологии СО РАН, г. Чита, Россия

10 – Камчатский государственный технический университет, г. Петропавловск-Камчатский,
Россия

elisabeth.haring@nhm-wien.ac.at

Сорока обыкновенная – широко распространенный вид, обитающий от Марокко и Испании до западной части Северной Америки с несколькими изолированными участками ареала. В настоящем сообщении приводятся сведения о характере генетической изменчивости у *P. pica*, главным образом, из восточно-палеарктической части ее ареала, с особым акцентом на группы населения с российского Дальнего Востока, Японии, Кореи и Тайваня. Кроме того, обсуждаются собственные и опубликованные биоакустические данные о стрекочущих сигналах *P. pica* в сравнении с генетическими результатами. Вместе с недавними сообщениями об изменении ареала мы обсуждаем возможные пути расширения популяций.

Полная последовательность митохондриального контрольного региона была получена от 109 особей, представляющих 9 подвидов. Было установлено глубокое генетическое расхождение между четырьмя подвидами: (1) европейско-сибирская группа, (2) группа южной части Дальнего Востока, (3) *P. p. mauritanica* и (4) *P. p. hudsonia*. Эти линии показывают четкую географическую картину и точно соответствуют отдельным подвидам или группам подвидов.

Биоакустические данные во многом соответствуют филогеографическим и согласуются с подвидовой дифференциацией, а также выделением основных четырех митохондриальных линий. Обобщены и обсуждены филогеографическая модель, исторические и рецентные изменения ареала, например, быстрое продвижение популяции *P. p. jankowskii* на запад в Забайкалье, и *P. p. leucoptera* в противоположном направлении, ведущей к возникновению новой зоны контакта. Однородность населения популяции Кюсю поддерживает исторические представления о внедрении вида. Популяция Хоккайдо возникло совсем недавно. Ее неожиданно высокой уровень разнообразия можно объяснить продолжающимся вселением особей с южной части российского Дальнего Востока.

В целом, наши данные подтверждают известный сценарий дивергенции в связи с географической изоляцией, но продолжающееся расширение ареала может привести к изменениям в филогеографических группировках, что следует из данных, представленных вариациями митохондриальной ДНК.